

診断技術開発研究部 論文(2024 年)

【英語論文】

原著論文

1. Nagashima T, Yamaguchi K, Urakami K, Shimoda Y, Ohnami S, Ohshima K, Tanabe T, Naruoka A, Kamada F, Serizawa M, Hatakeyama K, Ohnami S, Maruyama K, Mochizuki T, Mizuguchi M, Shiomi A, Ohde Y, Bando E, Sugiura T, Mukaigawa T, Nishimura S, Hirashima Y, Mitsuya K, Yoshikawa S, Kiyohara Y, Tsubosa Y, Katagiri H, Niwakawa M, Takahashi K, Kashiwagi H, Yasunaga Y, Ishida Y, Sugino T, Kenmotsu H, Terashima M, Takahashi M, Uesaka K & Akiyama Y. Evaluation of whole genome sequencing utility in identifying driver alterations in cancer genome. *Sci Rep.* 2024;14:23898.