

ゲノム解析研究部 論文(2022 年)

【英語論文】

原著論文

1. Hatakeyama K, Muramatsu K, Nagashima T, Kawanishi Y, Fukumura R, Ohshima K, Shimoda Y, Kenmotsu H, Mochizuki T, Urakami K, Akiyama Y, Sugino T, Yamaguchi K. Tumor cell enrichment by tissue suspension enables detection of mutations with low variant allele frequency and estimation of germline mutations. Sci Rep. 2022;12(1):2953.

【共同研究 英語論文】

原著論文

1. Kagawa H*, Hatakeyama K*, Shiomi A, Hino H, Manabe S, Yamaoka Y, Nagashima T, Ohshima K, Urakami K, Yamaguchi K. Consensus molecular subtyping improves the clinical usefulness of canonical tumor markers for colorectal cancer. Biomed Res. 2022;43(6):201-209. (* 共同第一著者)