

## 診断技術開発研究部 論文(2023年)

【英語論文】

原著論文

1. Nagashima T, Urakami K, Shimoda Y, Ohshima K, Serizawa M, Hatakeyama K, Ohnami S, Ohnami S, Naruoka A, Horiuchi Y, Iizuka A, Maruyama K, Akiyama Y, Yamaguchi K. Comparative analysis of tumor content estimation methods based on simulated tumor samples identified their impact on somatic variant detection in cancer whole genome sequencing. *Biomed Res.* 2023; 44(4):161-171.